



RESET-Verbund – epidemiologische und bakteriologische Kooperation zur Bewertung ESBL-resistenter Bakterien in Deutschland

Lothar Kreienbrock, Tierärztliche Hochschule Hannover



Bundesforschungsinstitut für Tiergesundheit











Hypothesen

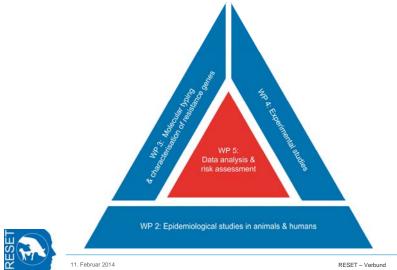
- dynamische Resistenzentwicklungen werden charakterisiert durch
 - Resistenzgene
 - Plasmide
- ▶ Resistenzen breiten sich aus
 - zeitlich
 - ▶ räumlich
 - zwischen Populationen

(molekulare) Charakterisierung



Epidemiologie

Konzept



Fachliche Kompetenz

	Epidemiologie	Mikrobiologie	Pharmakologie
Humanmedizin	Charité BfR-Epi	RKI Uni Gießen	
Tiermedizin	FU Berlin TiHo-Epi	BfR-Resi FLI	TiHo-Pharma
Naturwissens.	Uni Paderborn		TiHo-Toxi



aus Universitäten und Bundesressortforschungseinrichtungen sowie assoziierten Partnern aus Behörden, Fachhochschulen

11. Februar 2014 Lothar Kreienbrock

Epidemiologische und bakteriologische Kooperation

5

Wesentliche Ergebnisse aus RESET I

Experimentelle Studien













Experimentelle Studien

- ▶ Therapeutischer Einsatz von (Fluoro)Quinolonen in Broilern
- ► Therapeutischer Einsatz von ß-Laktam-Antibiotika in Schweinen
- ► Antibiotikaaufnahme durch Ackerfrüchte
 - ▶ TiHo-Pharma
 - ► TiHo-Toxi
 - ► Ass. Uni Leipzig
 - ▶ Uni Paderborn
 - ► Ass. FH Soest



Ergebnisse der ersten Förderphase

- die Ausbringung von Gülle mit Antibiotika und resistenten Keimen führt zu Rückständen antimikrobieller Substanzen in essbaren Pflanzenteilen
- Exposition mit niedrigen Konzentrationen von Antibiotika steigert das Vorkommen von resistenten Bakterien



Februar 2014
 Lothar Kreienbrock

RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation

Epidemiologische Studien an Tieren (Lebensmitteln)

















Epidemiologische Studien in Lebensmitteln, Tier und Umwelt

- ► Epidemiologische Prävalenzstudie in landwirtschaftlichen Betrieben in mehreren Landkreisen in Deutschland
 - ▶ Tiere
 - Umgebung
 - ▶ TiHo-Epi
- ▶ Longitudinalstudie in Schweine und Geflügel haltenden Betrieben
 - Umgebung von Tierhaltungen
 - Tiere
 - Haltungsbedingungen & Medikation
 - Wiederholte Bestandsbesuche
 - ▶ FU Berlin
- Querschnittserhebung in Lebensmitteln in Bayern, Hessen, Sachsen und Niedersachsen
 - ▶ Ass. LGL, Sächsisches LL, Hess. LL, LAVES

Ergebnisse der ersten Förderphase

- weite Verbreitung in Nutztierpopulationen
- ▶ hohe Betriebsprävalenzen
- ▶ Betriebsstatus → Sammelkotprobe ausreichend
- ► Ursachen sind komplex
- ▶ zusätzliche Informationen sind erforderlich
 - weitere Charakterisierung und Sequenzierung



Epidemiologische Studien an Menschen











Epidemiologische Studien bei Menschen

- ▶ Querschnittstudie bei gesunden Patienten in Bayern
- Fall-Kontroll-Studie an Patienten der Charité
- ➤ Analyse der Daten des Krankenhaus-Infektions-Surveillance-Systems und der Surveillance der Antibiotikaanwendung und bakteriellen Resistenzen auf Intensivstationen

Charité



Ass. LGL

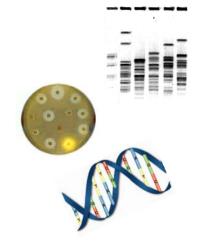
1. Februar 2014 othar Kreienbrock RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation 14

Ergebnisse der ersten Förderphase

- ▶ in sämtlichen Altersklassen der Bevölkerung kann ein Anteil von mehr als 5% Trägern von resistenten Keimen beobachtet werden
- Besiedlung mit ESBL-E. coli beim Menschen kann mit einzelnen Faktoren assoziiert werden
 - Ursachen sind komplex
 - > zusätzliche Informationen sind erforderlich
 - weitere Charakterisierung und Sequenzierung

RESET

Molekulare und Genanalysen











Molekulare Typisierung und Charakterisierung von Resistenzgenen

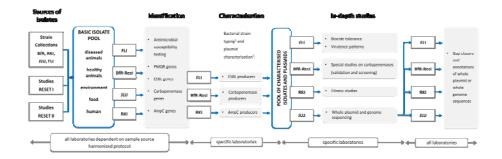
- Identifizierung möglicher ESBL-Gen-Reservoire in Tieren und Menschen
- ► Identifizierung ähnlicher Stämme oder Gene bei Menschen und Tieren
- ▶ Identifizierung korrespondierender Resistenzplasmide
- ➤ Transfer von Stämmen, Plasmiden oder Genen vom Tier über die Lebensmittelkette zum Menschen
 - ▶ BfR-Resi
 - ▶ FLI
 - ▶ RKI
 - Uni Gießen



Februar 2014
 Lothar Kreienbrock

RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation

Workflow Laboruntersuchungen





Februar 2014
 Lothar Kreienbrock

RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation 18

Vergleich von Resistenzprofilen (erster Entwurf)

Definition von Resistenzmustern

- Kombination aus Resistenzgenen TEM, SHV, CTX-M
- Phylogruppe
- Resistenzmuster (von ausgewählten Antibiotika)

Klassifikation von Isolaten

- Subtyp ist in Tierpopulationen (verschiedene Ebenen) und /oder in Humanpopulationen vorhanden
- Subtyp ist nur in einer Tier- und in Humanpopulationen vorhanden
- Subtyp ist nur in einer Tier- und nicht in Humanpopulationen vorhanden
- Subtyp ist nur Humanpopulationen vorhanden

Ergebnisse der ersten Förderphase

- ► Isolate mit den gleichen Subtypen (Resistenzphänotyp, ESBL-Gene, Phylogruppen) treten bei Menschen wie auch in Tierpopulationen auf
- verschiedene Populationen haben verschiedene Häufigkeitsverteilungen und damit "typische"
 Resistenzmuster
- ► Erstmalig Carbapenemase bildende Keime in Geflügelbeständen in D gefunden



Datenanalyse und Risikobewertung







Datenanalyse und Risikobewertung

- ► Analyse der einzelnen Studien
- ▶ Vergleichende Untersuchungen zwischen den Studien
- ▶ Meta-Analysen
- Expositionsschätzung für ausgewählte Kombinationen
- ► Konzept einer Risikobewertung
 - ► individuelle Projektpartner
 - ► Ass. Uni Leipzig
 - ► TiHo-Epi
 - ▶ BfR-Epi



1. Februar 2014 othar Kreienbrock RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation 22

Ergebnisse der ersten Förderphase

- verschiedene Populationen haben verschiedene Häufigkeitsverteilungen und damit "typische" Resistenzmuster
- Source Attribution lässt sich auf Resistenzcharakteristika generell übertragen
 - ▶ Informationstiefe muss noch definiert werden
 - ▶ Datenbewertung muss noch abgeschlossen werden
- Expositionspfade IN bzw. VON der Bevölkerung müssen noch weiter entwickelt werden



Fazit und Ausblick

Fazit RESET 1. Förderphase

- Prävalenzen
 - in Tierbeständen sehr hoch
 - bei Menschen steigend (in Population und Klinik)
- ► Charakterisierung in Isolaten
 - ▶ erst in Teilen abgeschlossen
 - neue Resistenzen in Tierbeständen
- Übertragung
 - bei geringsten Mengen möglich



via Ackerfrüchte möglich

1. Februar 2014

Foidemiologische und bakteriologische Kooperation

25

Ausblick RESET 2. Förderphase

- Charakterisierung
 - ▶ Prüfung auf spezielle Mechanismen (z.B. Fitness etc.)
 - Sequenzierung
- vertiefende Analyse zu Übertragungswegen in der Geflügelhaltung
- Verbindung von molekularer und epidemiologischer Information
 - Integration und Entwicklung bioinformatorischer Algorithmen
 - vertiefende Analyse der Korrelationsstruktur der Einflussfaktoren auf Resistenzmuster
- Risikobewertung

Präventionsstrategien

11. Februar 2014 Lothar Kreienbrock RESET – Verbund Epidemiologische und bakteriologische Kooperation 26

Perspektiven über RESET hinaus

- ► Erforschung von Resistenztransfer zwischen Menschen und Tieren durch simultane Beprobung
 - Nutzung der nationalen Kohorte und Resistenzverbünde
- kontinuierliches Monitoring von Resistenzen
 - ▶ bei Menschen und Tieren
 - ▶ bei Kranken und Gesunden
 - in speziellen Reservoiren
- ► Harmonisierung von Labor- und Auswertungsmethoden unter Praxisbedingungen
 - ▶ Etablierung von praxistauglichen SOP's zur Diagnostik
 - Austausch / gemeinsame Nutzung von Daten
 - Etablierung von Algorithmen zur Interpretation von (Sequenz-) daten





Vielen Dank für Ihre Aufmerksamkeit







© Logo: RESET-Verbund, Koordination Tierärztliche Hochschule Hannover © Bilder: Lothar Kreienbrock